بررسی اثر پیوند هیدروژنی بر پیشبینی جذب مخلوط اتانول/آب در غشاء پلیمری پلی دی متیل سیلو کسان (PDMS) در فر آیند تراوش تبخیری به روش الگوريتم ژنتيک

على شكوهى'، غلامرضا پازوكى'، احمدرضا رئيسى'<sup>، \*</sup>، عبدالرضا اروجعليان'

چکیدہ	مشخصات مقاله
در این مقاله رفتار جـذب مخلـوط اتـانول / آب در غشـای پلیمـری پلـیدیمتیـل-	تاريخچه مقاله:
سیلوکسان (PDMS) در دو دمایC° ۴۵ و ۶۰ در غلظتهای مختلف خوراک، توسط	دریافت: ۱۴ مهر ۹۲
مــدل انــرژی آزاد گیــبس UNIQUAC و مــدل اصــلاح شــده بــا اثــر پيونــد	دریافت پس از اصلاح: ۲۴ تیر ۹۳
هیدروژنیUNIQUAC-HB بررسی شده است. قدرت پیشبینی دو مـدل، اثـر پیونـد	پذیرش نهایی: ۲۹ مرداد ۹۳
هیدروژنی، غلظت و دمای خوراک بر فرآیند جذب سیستم مذکور مطالعه شده اسـت.	
— با فرض برقراری تعادل ترمودینامیکی اجزاء در دو فاز موجـود، پارامترهـای تنظیمـی	كلمات كليدي:
مدلها با روش الگوریتم ژنتیک تخمین و سپس جـزء حجمـی اجـزاء محاسـبه شـده	۔ حذب
است. نتایج، تطابق خوبی بین مقادیر پیشبینی شده با مدل UNIQUAC و دادههای	، . مخلوط اتانول / آب
آزمایشگاهی را نشان میدهد که به ترتیب برای دماهایC° ۴۵ و ۶۰، درصد خطا برابر	پلې دېمتيل سيلو کسان (PDMS)
۴/۲ و ۴/۴ میباشد. در نظر گرفتن اثـر پیونـد هیـدروژنی در مـدل UNIQUAC-HB	مدل UNIQUAC
موجب کاهش درصد خطا به ۳/۸ و ۴ برای دماهای مذکور و تطبیق بهتر نتایج مدل و	مدل UNIQUAC-HB
دادههای آزمایشگاهی میشود.	ل الگوريتم ژنتيک

۱. دانشکده مهندسی شیمی، دانشگاه صنعتی امیر کبیر، تهران، ایران

\* عهده دار مکاتبات raisia@aut.ac.ir

حقوق ناشر محفوظ است.

#### ۱– مقدمه

تراوش تبخیری فرآیندی است که جریان مایع شامل دو و یا چند جزء حل شده در تماس با یک طرف غشای پلیمری غیرمتخلخل و یا غشای معدنی متخلخل مولکولی مانند غشای زئولیتی میباشد، در حالی که از خلاء و یا یک گاز به عنوان عامل جاروب کننده در طرف دیگر غشاء استفاده میشود [۱]. تراوش تبخیری با تغییر فاز مواد نفوذ کننده از مایع به گاز همراه

میباشد. محصول عبور کرده از غشاء به صورت بخار با فشار پایین از سمت دیگر غشاء جدا میشود. این محصول پس از تبدیل شدن به مایع، جمعآوری میشود. در واقع این فرآیند همان عمل تبخیر است که یک غشاء به آن اضافه شده است. حضور غشاء باعث افزودن گزینش پذیری به فرآیند شده و مزایای آن بیشتر میشود. به کمک این فرآیند میتوان دو مایع را از هم جدا نمود. غشای به کار رفته در این فرآیند از نوع متراکم است و به همین دلیل فرآیندی کند محسوب میگردد [۲]. شکل ۱، نمای کلی از این فرآیند را نشان میدهد:

تراوش تبخیری، نخستین بار توسط Kober در سال ۱۹۱۷، جهت تراوایی انتخاب پذیر آب از محلول های آبی آلومین و تولوئن طی فیلمهای نیترات سلولز استفاده شد. تراوش تبخیری، به شکل متداول امروزی نخستین بار توسط Binning در سال ۱۹۵۰ بکار برده شد. پس از آن اولین سیستم تراوش تبخیری در مقیاس کامل در سال ۱۹۸۲ در برزیل برای تولید اتانول به کار گرفته شد. انتخاب غشاء مناسب یکی از قسمتهای مهم در فرآیند تراوش تبخیری میبشد. تعداد بسیار زیادی از انواع غشاها در آزمایشگاهها، میرای جداسازی مخلوط مایع توسعه و بازدهی و کاربرد آنها شرح داده شده است. این غشاها شامل غشاهای پلیمری، غشاهای ترکیبی آلی / غیر آلی مانند غشای پلیمری پایه زئولیت، غشاهای غیر آلی مانند غشای زئولیتی و غشاهای مایع میباشند [۳].

در بیشتر فرآیندهای تراوش تبخیری، نیروی محرکه، اختلاف فشار بین جریان خوراک و جریان تراوش شده میباشد و پمپ خلاء نیروی محرکه لازم برای انتقال جرم اجزاء را فراهم میکند. جداسازی به این شکل است که یک جزء سریعتر از سایر اجزاء به طرف دیگر غشاء تراوش کرده و در آن سمت به صورت بخار جمعآوری میشود. این نوع تراوش تبخیری را، تراوش تبخیری با نیروی محرکه خلاء



شکل (۱) نمای کلی فرآیند تراوش تبخیری



شکل (۲) شمایی فر آیند تراوش تبخیری با نیروی محرکه پمپ خلاء

(Vacuum-driven pervaporation) گویند. پمپ خلاء کاهش فشار جزئی مورد نیاز برای ایجاد نیروی محرکه را ایجاد میکند [۴]. فرآیند تراوش تبخیری با نیروی محرکه پمپ خلاء در شکل ۲ نمایش داده شده است

# ۲- مدلهای ترمودینامیکی مـورد اســتفاده در مرحله جذب

مدل سازی بخش جذب در فرآیند تراوش تبخیری شبیه بخش نفوذ از مهمترین مراحل این فرآیند محسوب می گردد. محاسبه میزان نفوذ اجزاء، نیازمند اطلاع از میزان جذب اجزاء مخلوط در غشاء میباشد. به طور معمول جذب به برخوردهای متقابل اجزاء و غشاء، درجه شبکهای شدن، ترکیب درصد خوراک و دما بستگی دارد. جذب ایدهآل زمانی رخ میدهد که برخوردهای متقابل بین اجزاء، بسیار ضعیف باشد؛ در این حالت غلظت یک جزء در غشاء به صورت خطی با غلظت آن جزء در خوراک متناسب است. همچنین غلظت دیگر اجزاء در خوراک تأثیری بر روی غلظت جزء اصلی در غشاء ندارد. با وجود صادق نبودن فرض عدم برخورد متقابل بین اجزاء و

غشاء برخی از محققین از جذب ایده آل [۸-۵] برای مدل سازی استفاده نموده اند.

طراحی صحیح فرآیند جداسازی، شامل جداسازی اجزای با وزن مولکولی کم پلیمر به وسیله جزء به جزء کردن پلیمر-نیازمند دقیق بودن مدل رفتار فازی مخلوط پلیمر-محلول میباشد. برای توصیف تعادل فازی در مخلوط پلیمر- محلول از مدل انرژی آزاد اضافی گیبس (۲)، و مدل معادله حالت (EOS) استفاده میشود. در اکثر موارد مدل انرژی آزاد گیبس مورد استفاده قرار میگیرد. اساس این مدل به طور عمومی معادله فلوری- هوگینز میباشد. معادله فلوری- هوگینز از نظر مفهوم و کارائی، ساده، بسیار انعطاف پذیر و در بسیاری از موارد کاربرد زیادی دارند [۹].

#### UNIQUAC مدل -1-۳

معادله ،Prausnits و Prausnits را برای توصیف Universal quasi-chemical (UNIQUAC) را برای توصیف انرژی اضافی گیبس مخلوط که رابطهای ترکیبی است، مطرح نمودند [۱۰]. این معادله در حالی که تنها نیاز به دو نوع تعادلات تنظیمی به ازای جفت دوتایی دارد، برای هر دو نوع تعادلات فازی، یعنی تعادل بخار- مایع و مایع- مایع برای مخلوط دو جزئی و چند جزئی مورد استفاده قرار می گیرد.

Cunha و همکاران، جذب محلول آروماتیک/آلیفاتیک را در غشای (PU) Polyurethane مورد بررسی قرار دادند. مدل UNIQUAC و فلوری- هوگینز مدلهای استفاده شده برای جذب، در این مقالهاند. علت انتخاب مدل UNIQUAC، کاربرد آن در مخلوطهای دارای اختلاف در اندازه مولکول اجزاء و علت انتخاب مدل فلوری- هوگینز سادگی آن ذکر شده است. نتایج حاصل از مدل UNIQUAC با نتایج آزمایشگاهی تطابق بالایی داشته است و با توجه به اینکه پارامتر دو جزئی این مدل از سیستم حلال خالص/پلیمر بدست میآید، سادگی ریاضیاتی و برتری این مدل پیشنهاد داده شد [۱۱].

معادله UNIQUAC از دو بخش محاسبه می شود، تفاوت در اندازه و شکل و تفاوت در انرژی مولکول های مختلف در مخلوط، که به ترتیب بخش ترکیبی و بخش باقیمانده نام دارند. بخش ترکیبی معادله UNIQUAC تنها شامل پارامترهای ساختاری است، در حالی که بخش باقیمانده تفاوت انرژی بین مولکول های مختلف را نشان می دهد. با توجه به رابطه انرژی اضافی گیبس و روابط بنیادین ترمودینامیکی معادله لگاریتمی ضریب فعالیت جزء i به دست می آید.

$$ln\gamma_i = ln\gamma_i^{Comb} + ln\gamma_i^{Res} \tag{1}$$

$$ln\gamma_{i}^{Comb} = ln\left(\frac{\varphi_{i}}{x_{i}}\right) + \left(\frac{Z}{2}\right)q_{i}ln\frac{\theta_{i}}{\varphi_{i}} + l_{i}$$
$$-\frac{\varphi_{i}}{x_{i}}\left(\sum_{j=1}^{N}x_{j}l_{j}\right)$$
(Y)
$$ln\gamma_{i}^{Res} = q_{i}\left[1 - ln\left(\sum_{j=1}^{N}\theta_{j}\tau_{ji}\right)\right]$$
(Y)

$$-\sum_{j=1}^{N} \left( \frac{\theta_{j} \tau_{ij}}{\sum_{k=1}^{N} \theta_{k} \tau_{kj}} \right) \right]$$

در این رابطه، x جزء مولی است.  $\theta_i$  میانگین جزئی مساحت (وابسته به پارامتر سطحی خارجی) میباشد و از این-رو پارامتر سطح نام دارد.  $\varphi_i$  میانگین جزئی قطعهای (وابسته به تعداد بخشها) میباشد و از اینرو پارامتر حجم نام دارد. این دو پارامتر از رابطه زیر محاسبه می گردند:

$$\theta_i = \frac{q_i x_i}{\sum_j q_j x_j} \tag{f}$$

$$\varphi_i = \frac{r_i x_i}{\sum_j r_j x_j} \tag{\Delta}$$

 $\tau_{ji}$ پارامتر برهمکنش دو جزئی است که جزء مکان  $\tau_{ji}$  خارجی اطراف مولکول i پوشیده شده با مولکول j را نشان می دهد ( $\tau_{ii} = \tau_{jj} = 1$ ). در این مقاله پارامتر برهمکنش دو جزئی، تابعی خطی از دما فرض شده است و به صورت زیر تعریف می شود:

$$\tau_{ij} = exp\left(-\frac{a_{ij} + b_{ij}T}{RT}\right) \tag{9}$$

در معادله UNIQUAC، را میتوان از رابطه زیر محاسبه کرد:

$$l_i = \frac{Z}{2}(r_i - q_i) - (r_i - 1)$$
(Y)

در این معادله Z عدد کوردیناسیون است که در این مدل برابر ۱۰ است.

#### T-۳ مدل UNIQUAC-HB

ایــن مــدل بیشــتر مواقــع جــواب دقیــقـتــری را بــرای سیســتمهـای دارای بــرهمکــنشهـای قــوی هیــدروژنی دارد

[۲ ۱, ۳ ۲]. این مدل برای سیستمهای دارای جزء پروتوندار <sup>۱</sup> (جزئی که توانایی ایجاد پیوند هیدروژنی را دارد) مانند اتانول و ماده پلیمری شامل بخش پایه لوئیس که دارای پیوند هیدروژنی قوی با جزء پروتوندار میباشند، کاربرد دارد [ ۲ , ۱۵]. جهت محاسبه اثر پیوند هیدروژنی، بخش باقیمانده مدل UNIQUAC اصلاح شده و مدل اصلاح شده UNIQUAC به شکل رابطه زیر نشان داده می شود.

$$ln\gamma_i = ln\gamma_i^C + ln\gamma_i^{R-HB} \tag{(A)}$$

$$ln\gamma_{i}^{R-HB} = q_{i}^{'} \left[ 1 - ln \left( \sum_{j=1}^{N} \theta_{j}^{'} \tau_{ji} \right) - \sum_{j=1}^{N} \left( \frac{\theta_{j}^{'} \tau_{ij}}{\sum_{k=1}^{N} \theta_{k}^{'} \tau_{kj}} \right) \right]$$
(9)

 $q'_i$  پارامتر سطح اصلاح شده برای جزء i میباشد. این  $q'_i$  پارامتر سطح اصلاح شده برای جزء i میباشد. این پارامتر در حالتی با پارامتر سطح  $(q_i)$  UNIQUAC برابر خواهد بود که جزء تشکیل دهنده سیستم، جزء غیر پروتوندار (جزئی که توانایی ایجاد پیوند هیدروژنی را ندارد) باشد؛ در حالی که برای سیستمهای دارای جزء پروتوندار  $q'_i$  مقدار کمتری را نسبت به  $q'_i$  مارد [۱۳, ۱۳]. در ضمن  $\theta'_i$  جزء حجمی اصلاح شده میباشد که به صورت زیر محاسبه میگردد:

$$\theta_i' = \frac{q_i x_i}{\sum_j q_j' x_j} \tag{1}$$

Yang و Lue جذب محلول اتانول/آب را در غشای UNIQUAC-HB و UNIQUAC و UNIQUAC-HB و UNIQUAC-HB مورد بررسی قرار دادهاند. در این مقاله، محاسبه فعالیت از UNIQUAC به دلیل موجود بودن دادههای پارامتر برهمکنش اتانول/آب، دارای سرعت محاسبه بالاتری نسبت به مرهمکنش اتانول/آب، دارای سرعت محاسبه یالاتری نسبت به میدروژنی بین اتانول و آب). نتیجه این بررسی، برتری پیشبینی مدل جذب سیستم اتانول/آب/Supune و فلوری- پیشبین میاشد. این برتری به دلیل وجود پارامتر اضافی اثر پیوند UNIQUAC-HB میاشد. این برتری و UNIQUAC-HB توسط هیدروژنی بین اتانول/آب میاشد [۶].

به  $q_i' \; q_i \; q_i$  پارامترهای ساختاری ماده خالص میباشند $q_i \; q_i \; r_i$  که در مقالات یافت میشوند. این پارامترها در جدول ۱، برای اجزای موجود ارائه شده است:

جدول (۱) پارامترهای ساختاری اجزاء ( $r_i$ ،  $q_i'$ )، جدول (۱) پارامترهای ساختاری اجزاء ( $q_i'$ )

$q_i'(m^2/mol)$	q <sub>i</sub> (m <sup>2</sup> /mol)	r <sub>i</sub> (cm <sup>3</sup> /mol)	جزء
٠/٩٢	١/٩٧	۲/۱۱	اتانول
١	1/47	•/97	آب
	$q_m/r_m = \cdot/VFF$		PDMS

## ۳– دادههای آزمایشگاهی

به منظور مدلسازی و بررسی انتقال جرم در طی غشاء در فرآیند تراوش تبخیری، تعیین میزان جذب یا ضریب حلالیت اجزاء در غشاء ضروری است. برای اندازه گیری اجزاء خالص در غشاء از روش وزنسنجی استفاده میشود. دادههای مدل شده در این مقاله توسط رئیسی و همکاران [۱۷] برای سیستم محلول اتانول/آب جذب شده در غشای پلیمری PDMS اندازه گیری شده است. در این روش ابتدا غشای PDMS موجود، درون آون تحت خلاء و در دمای ۶۰ درجه سانتی گراد به مدت ۳ ساعت قرار می گیرد تا کاملاً خشک شود. سپس PDMS خشک شده با ترازو با دقت چهار رقم اعشار وزن گردیده و وزن خشک آن یادداشت می شود. سپس درون ظرف شیشهای در بسته حاوی محلول آب و الکل مورد نظر قرار می گیرد. ظرف نمونه در آون و در دمای ثابت انجام آزمایش قرار می گیرد. در فاصلههای زمانی مختلف، با خروج غشاء از محلول، مايع اضافي روى آن با دستمال كاغذى لطيف و با دقت حذف شده و غشای متورم شده وزن می شود تا مجدداً غشاء به بطری برگردانده و درون آون قرار گیرد. جهت کاهش خطا به دلیل تبخیر سطحی، این مرحله از آزمایش به سرعت انجام می گیرد. اندازه گیری وزن غشای متورم تا رسیدن به تعادل ترمودینامیکی یعنی تا زمانی که وزن بدست آمده از غشاء به یک مقدار تقریباً ثابت برسد تکرار می شود. تعادل ترموديناميكي معمولاً بعد از ۴ يا ۵ روز بدست ميآيد. وزن نهایی به عنوان وزن PDMS تر در نظر گرفته می شود. میزان جذب به صورت جزء وزنی مایع در غشاء بر طبق رابطه زیر محاسبه می گردد:

$$w_i^s = \frac{W_s - W_d}{W_s} \tag{11}$$

که در آن  ${}^{s}_{i} W$  جزء وزنی مایع در غشاء و  ${}^{W}_{d} e^{-s}$  به ترتیب وزن غشاء در حالت خشک و متورم شده می باشد. در مرحله بعد عمل دفع ترکیب جذب شده از غشاء انجام می گیرد. در این مرحله بعد از آنکه غشای تر به کمک دستمال

<sup>&</sup>lt;sup>1</sup>protic

کاغذی لطیف مایع اضافی روی آن با دقت حذف شد، درون ارلن تخلیه قرار داده می شود و سر ارلن به یک trap وزن شده خشک وصل می شود و trap درون فلاسک ازت مایع قرار می گیرد. سر دیگر trap نیز به پمپ خلاً وصل می شود. بعد از گذشت ۵ ساعت، سیستم خلاً قطع شده و trap دوباره وزن می شود. آنچه درون trap جمع شده، همان قسمتی از محلول می شود. آنچه درون trap جمع شده، همان قسمتی از محلول است که جذب غشای PDMS خالص شده است. محلول بدست آمده به دلیل کوچک بودن غشاء، بسیار اندک می باشد؛ به همین دلیل رقیق شده و جهت تزریق در دستگاه کروماتو گرافی گازی برای تعیین ترکیب درصد الکل موجود آماده می شود.

برای اندازه گیری غلظت محلولهای مختلف الکل از دستگاه کروماتو گرافی گازی استفاده شده است. دستگاه Yonglin 6000MGC ساخت شرکت Yonglin 2 کره جنوبی و دارای ستون مویین نوع TRB-Wax با ابعاد ۳/۵μm ×۳/۳۲mm و مجهز به شناساگر نوع FID میباشد. گاز مامل دستگاه، گاز هلیم بوده که فشار سر ستون برای آن مامل دستگاه، گاز هلیم بوده که فشار سر ستون برای آن ۱۰psi تنظیم شده است. برنامه دمایی آون طوری تنظیم می-ماود که به مدت ۹ دقیقه در دمای ۲۰<sup>o</sup> ۲۰۰ و<sup>o</sup> ۲۲۰ و<sup>o</sup> ۲۲۰ دماهای تزریق کننده و شناساگر به ترتیب <sup>o</sup> ۲۰۰ و<sup>o</sup> ۲۲۰ و<sup>c</sup> ۱۰۱۰ درجه میباشند. تزریق کننده در حالت split و با نسبت ۱۰:۱۰ کار میکند و حجم تزریق نمونه L۹ میباشد.

ابتدا محلولهای شاهد با غلظت مشخص ۰/۰، ۲/۰، ۵/۰، ۱، ۲، ۵ و ۱۰ درصد وزنی از هر کدام از الکلهای مورد آزمایش ساخته شده و به دستگاه کروماتوگرافی تزریق میگردد و سطح زیر نمودار حاصل از پیک الکل از دستگاه خوانده میشود. با رسم منحنی استاندارد سطح زیر پیک در برابر غلظت محلول، معادله خط حاصل شده و با استفاده از این معادله میتوان غلظت حاصل از پیکهای مختلف را که از تزریق نمونههای با غلظت مجهول به دستگاه تزریق شدهاند، بدست آورد. با توجه به منحنی استاندارد و معادله خط بدست آمده، غلظت الکل موجود در محلول تزریق شده تعیین میگردد. غلظت بدست آمده برای محلول رقیق شده میباشد که در عکس ضریب رقت ضرب شده تا غلظت محلول جذب شده توسط غشاء تعیین شود.

## ۴–روش حل مدل

سیستم مورد استفاده در جذب، دارای دوفاز میباشد؛ فاز اول شامل آب و اتانول که به عنوان خوراک ابتدایی وارد شده

است و فاز دوم شامل سه جزء آب، اتانول و PDMS میباشد.

جهت پیشبینی میزان جذب انجام شده در غشای پلیمری، ابتدا به کمک درصد وزنیهای اندازه گیری شده، جزء حجمی اتانول، آب و PDMS در درصدهای وزنی مختلف خوراک ورودی محاسبه می شوند. به دلیل برقراری تعادل شیمیایی، برابری فعالیت در دو فاز برای دو جزء ۱ و ۲ که به ترتیب اتانول و آب می باشند، برقرار می شود. بر اساس دادههای تربی و پارامترهای مدلهای موجود، پارامترهای تنظیمی مربوطه که شامل ۱۲ پارامتر ( $a_{ij}$  و  $a_{ij}$ ) می باشد، بر اساس تعریف تابع هدف به شکل رابطه (۱۲) وبا استفاده از روش الگوریتم ژنتیک در نرم افزار MATLAB به عنوان یکی از روشهای با دقت تخمین بالا، بهینه می گردند.

$$\Omega = \frac{100}{N} \sum_{i=1}^{N} \frac{|a_i^I - a_i^{II}|}{a_i^I}$$
(17)

پسس از محاسبه پارامترهای برهم کنش مدل ترمودینامیکی مورد استفاده با روش الگوریتم ژنتیک، برای هر کدام از درصد وزنیهای خوراک ورودی، سه معادله غیر خطی که دو معادله آن مربوط به تعادل ترمودینامیکی دو جزء اتانول و آب در دو فاز موجود و یک معادله آن مجموع جزء حجمی سه جزء اتانول، آب و PDMS برابر یک میباشند، که این معادلات در روابط (۱۳) تا (۱۵) مشاهده می شود، به صورت همزمان در نرم افزار MATLAB حل شده و مجهولات معادله که همان حجم جزئی اجزاء میباشند محاسبه می گردند.

- $a_1^I = a_1^{II} \tag{17}$
- $a_2^I = a_2^{II} \tag{14}$
- $\varphi_1 + \varphi_2 + \varphi_p = 1 \tag{10}$

### ۵-نتایج و بحث

پارامترهای تنظیمی محاسبه شده به روش الگوریتم ژنتیک در جدول ۲ نشان داده شده است. پس از محاسبه پارامترهای برهم کنش دو جزئی مدلهای مورد استفاده، جزء حجمی اجزاء محاسبه می گردد. شکل ۳ مقایسه دادههای جزء حجمی اتانول و آب به دست آمده از پیش بینی مدل UNIQUAC و دادههای آزمایشگاهی را در دو دمای ۴۵ و ۶۰ درجه سانتی گراد نشان می دهد. دقت بالای این مدل در پیش بینی دادههای جذب برای سیستم مورد استفاده در این مقاله در شکل قابل مشاهده می باشد. افزایش میزان جذب UNIQUAC-HB و UNIQUAC-HB برای اتانول و آب در دمای

۴۵ درجه سانتی گراد را نشان می دهد. همان گونه که گفته شد،

با توجه به اعمال اثر پیوند هیدروژنی در مدل

UNIQUAC-HB نتایج حاصل شده از این مدل دارای دقت

بالاتری نسبت به مدل UNIQUAC می باشد که در شکل ۴

ورودی، افزایش می یابد؛ در حالی که نمودار جذب آب دارای

حداکثر میباشد. وجود حداکثر در نمودار جذب آب نشان

دهنده نیروی بین مولکولی قوی بین مولکولهای آب و اتانول

میباشد که بر نیروی دافعه ماتریس غشاء غلبه میکند و

میزان جذب اتانول با افزایش غلظت اتانول در خوراک

اتانول در غشای پلیمری PDMS با افزایش دما قابل مشاهده است. دلیل این امر آب گریز بودن این غشاء در سیستم جذب میباشد.

ش کل ۴ نیز همین مقایسه را برای مدل UNIQUAC-HB نشان میدهد. به دلیل وجود پیوندهای هیدروژنی بین اجزای خوراک و همچنین توانایی ایجاد پیوند هیدروژنی توسط غشای پلیمری PDMS و هر کدام از اجزای سیستم شامل اتانول و آب، انتظار میرود استفاده از ترمی که اثر پیوند هیدروژنی را در مدل مورد بررسی قرار دهد، باعث بهبود در دقت نتایج مدلسازی گردد. جهت مقایسه نتایج حاصل شده از دو مدل مورد بررسی، دمای ۴۵ درجه سانتی گراد انتخاب شده است. شکل ۵ مقایسه نتایج مدلهای

 $au_{12}$  $au_{13}$  $au_{23}$  $\tau_{21}$  $au_{31}$  $\tau_{32}$ UNIQUAC (T=45 °C) ۲/۹۳۵۸ ./1409 •/• ۵۲۲ ٠/١ 1/.988 ./97.7  $au_{12}$  $au_{13}$  $au_{23}$  $au_{21}$  $au_{31}$  $\tau_{32}$ ٣/٣٩٢٢ ./.۵٨١ ./۳۵۱۹ ./.۴١٣ ./4918 UNIQUAC-HB (T=45 °C) .1799  $au_{12}$  $au_{13}$  $au_{23}$  $au_{21}$  $\tau_{31}$  $au_{32}$ 1/8481 ٠/٢٠١٨ ۰/۰۸۵۶ ٠/١٣٧٨ ١/• ٧٢٨ ٠/٧٣١٣ UNIQUAC (T=60 °C)  $au_{12}$  $au_{13}$  $au_{23}$  $au_{21}$  $\tau_{31}$  $\tau_{32}$ UNIQUAC-HB (T=60 °C) 4/1889 ۰/۲۰۶۵ ۰/۲۱۳۵ ۰/۰۱۳۷ ۰/۵۳۸۳ ./314



نيز قابل مشاهده است.

جذب به تعادل می سد.



شکل (۳) مقایسه نتایج مدل UNIQUAC و دادههای آزمایشگاهی در دو دمای ℃ ۴۵ و ۶۰



شکل (۴) مقایسه نتایج مدل UNIQUAC-HB و دادههای آزمایشگاهی در دو دمای C° ۴۵ و ۶۰



شکل (۵) مقایسه نتایج مدل UNIQUAC و UNIQUAC-HB با دادههای آزمایشگاهی در دمای C° ۴۵

جهت مقایسه تأثیر دما بر میزان جذب، درصد وزنی اتانول ورودی برابر ۱۵/۰ انتخاب شده است. شکل ۶–الف روند افزایشی میزان جذب را برای اتانول با افزایش دمای فرآیند نشان میدهد. شکل ۶–ب این روند را برای آب نشان میدهد. میزان جذب برای آب و اتانول و در حالت کلی با افزایش دما، افزایش مییابد. بر طبق تئوری حجم آزاد [۱۸]، افزایش دما میتواند باعث افزایش اثر جنبشی گرمایی در شاخههای پلیمری شده و در ماتریس پلیمری حجم آزاد تولید کند که باعث تسهیل در جذب در غشاء میگردد. این امر باعث افزایش میزان جذب هر دو جزء مخلوط با افزایش دما می گردد.

خطای حاصل از مدلسازی دادههای جذب برای جزء حجمی الکل، آب و PDMS محاسبه شده و خطای کلی برابر میانگین سه خطای اجزاء می باشد. میزان خطای مطلق میانگین برای هر جزء از رابطه زیر بدست می آید.

$$\% AAD = \frac{100}{N} \sum_{i=1}^{N} \frac{\left|\varphi_i^{exp} - \varphi_i^{calc}\right|}{\varphi_i^{exp}}$$
(19)

شکل ۷ خطای مدل UNIQUAC-HB و UNIQUAC-HB را نشان میدهد.



شکل (۶) تأثیر دما بر میزان جذب اتانول (الف) و آب (ب)



شکل (۷) خطای مطلق اتانول و آب و خطای کلی برای مدلهای UNIQUAC-HB و UNIQUAC-HB در ℃ ۴۵ و℃ ۶۰

#### ۶- نتیجهگیری

جذب مخلوط اتانول/آب در غشای PDMS در این مقاله بررسی شد. نتایج نشاندهنده افزایش میزان جذب اتانول با افزایش غلظت اتانول در خوراک مایع ورودی میباشد. نمودار جذب آب به دلیل وجود نیروی بین مولکولی قوی بین مولکولهای آب و اتانول که بر نیروی دافعه ماتریس غشاء غلبه میکند و جذب را به تعادل میرساند، دارای حداکثر میباشد. با افزایش دما اثر جنبشی گرمایی در شاخههای پلیمری افزایش یافته و در ماتریس پلیمری حجم آزاد تولید میشود

که باعث تسهیل در جذب در غشاء می گردد. این امر دلیل افزایش میزان جذب هر دو جزء مخلوط با افزایش دما می باشد. به دلیل وجود پیوند هیدروژنی بین اجزای خوراک و همچنین بین غشاء و هر کدام از اجزاء، اعمال اثر پیوند هیدروژنی بر روی مدل باعث بهبود در دقت نتایج شده است. نتایج دقت بالای مدل UNIQUAC و خطای کمتر مدل نتایج دق الای در مقایسه با مدل UNIQUAC در پیش بینی فرآیند جذب مخلوط اتانول/آب در غشای PDMS را نشان می دهد. using polyurethane membranes: experimental and modeling". *Journal of Membrane Science*, 206(1–2) : p. 277-290.

- [12] Prausnitz, J.M., R.N. Lichtenthaler, and E.G. de Azevedo, (1998) Molecular Thermodynamics of Fluid-Phase Equilibria. *Prentice-Hall international series in* the physical and chemical engineering sciences. Pearson Education.
- [13] Anderson, T.F. and J.M. Prausnitz, (1978) "Application of the UNIQUAC Equation to Calculation of Multicomponent Phase Equilibria. 1. Vapor-Liquid Equilibria". *Industrial & Engineering Chemistry Process Design and Development*, 17(4): p. 552-561.
- [14] Jonquières, A., et al., (1996) "Solubility and polarity parameters for assessing pervaporation and sorption properties. A critical comparison for ternary systems alcohol/ether/polyurethaneimide" *Journal of Membrane Science*, 121(1): p. 117-133.
- [15] Jonquières, A., et al., (1995) "Polarity measurements in block copolymers (polyurethaneimides) and correlation with their pervaporation features". *Journal of Applied Polymer Science*, 56(12) : p. 1567-1579.
- [16] Yang, T.-H. and S. Jessie Lue, (2012) "UNIQUAC and UNIQUAC-HB models for the sorption behavior of ethanol/water mixtures in a cross-linked polydimethylsiloxane membrane". *Journal of Membrane Science*, 415–416(0) : p. 534-545.
- [17] Raisi, A., Aroujalian, A.,Kaghazchi, T., (2009) "Experimental study and mass transport modeling of ethanol separation from aqueous solutions by pervaporation", *Separation Science and Technology*, 44(15), 3538-3570.
- [18] Vrentas, J.S. and J.L. Duda, (1977) "Diffusion in polymer–solvent systems. II. A predictive theory for the dependence of diffusion coefficients on temperature, concentration, and molecular weight".*Journal of Polymer Science*: Polymer Physics Edition, 15(3) : p. 417-439.

 Vane, L.M., (2005) "A review of pervaporation for product recovery from biomass fermentation processes". *Journal of Chemical Technology & Biotechnology*, 80(6): p. 603-629.

مراجع

- [2] Feng, X. and R.Y.M. Huang, (1997) "Liquid separation by membrane pervaporation: A review".*Industrial & Engineering Chemistry Research*, 36(4): p. 1048-1066.
- [3] Dutta, B.K., W. Ji, and S.K. Sikdar, (1996) "Pervaporation: Principles and applications". *Separation and Purification Methods*, 25(2): p. 131-224.
- [4] Mulder, M., (1996) *Basic Principles of Membrane Technology* ed. S. Edition. Kluwer.
- [5] Lee, C.H., (1975) "Theory of reverse osmosis and some other membrane permeation operations". *Journal of Applied Polymer Science*, 19(1): p. 83-95.
- [6] Wijmans, J.G. and R.W. Baker, (1993) "A simple predictive treatment of the permeation process in pervaporation". *Journal of Membrane Science*, 79(1) : p. 101-113.
- [7] Shieh, J.-J. and R.Y.M. Huang, (1998) "A Pseudophase-Change Solution-Diffusion Model for Pervaporation. II. Binary Mixture Permeation". *Separation Science and Technology*, 33(7): p. 933-957.
- [8] Shieh, J.-J. and R.Y.M. Huang, (1998) "A Pseudophase-Change Solution-Diffusion Model for Pervaporation. I. Single Component Permeation". *Separation Science and Technology*, 33(6): p. 767-785.
- [9] Orbey, H., C.-C. Chen, and C.P. Bokis, (1998) "An extension of cubic equations of state to vapor-liquid equilibria in polymer-solvent mixtures". *Fluid Phase Equilibria*, 145(2) : p. 169-192.
- [10] Abrams, D.S. and J.M. Prausnitz, (1975) "Statistical Thermodynamics of Liquid Mixtures: A New Expression for the Excess Gibbs Energy of Partly or Completely Miscible Systems".*AIChE J.*, 21(1) : p. 116-128.
- [11] Cunha, V.S., et al., (2002) "Removal of aromatics from multicomponent organic mixtures by pervaporation

# Effect of hydrogen bonding on prediction of sorption behavior of ethanol/water mixture into polydimethylsiloxane (PDMS) polymeric membrane in pervaporation process using genetic algorithm

## Ali Shokouhi<sup>1</sup>, Gholamreza Pazuki<sup>1</sup>, Ahmadreza Raisi<sup>1,\*</sup>, Abdolreza Aroujalian<sup>1</sup>

1. Department of Chemical Engineering, Amirkabir University of Technology, Tehran, Iran

### ABSTRACT

In this study, sorption behavior of ethanol/water mixture into poly dimethyl siloxane (PDMS) membrane at 45°C and 60°C was investigated using the Gibbs free energy models namely the UNIQUAC and the UNIQUAC-HB. Prediction accuracy of these models, effects of hydrogen bonding, concentration and temperature of feed on the sorption behavior were studied. Using thermodynamic equilibrium criteria between the components in two phases, the interaction parameters of models were estimated by the genetic algorithm and the volume fractions of components were calculated. Results showed that there is a good agreement between the experimental and predicted data obtained from the UNIQUAC model with an accuracy of 4.2% at 45 °C and 4.4% at 60 °C. Addition of hydrogen bonding term in the UNIQUAC-HB model leads to better agreement between model and experimental data.

#### **ARTICLE INFO**

Article history: Received: October 06, 2013 Revised: July 15, 2014 Accepted: August 20, 2014

Key words: Sorption Ethanol/Water Mixture Polydimethylsiloxane (PDMS) UNIQUAC Model UNIQUAC-HB Model Genetic Algorithm

All right reserved.

\* Corresponding author raisia@aut.ac.ir